

VI REUNIÓN DEL GRUPO DE MICROBIOLOGÍA MOLECULAR

de la

SOCIEDAD ESPAÑOLA DE MICROBIOLOGÍA

Lleida, 13-15 septiembre de 2006

Auditorio del Centre de Cultures
Campus Universitario de Cappont
Universitat de Lleida

INFORMACIÓN GENERAL SOBRE LA REUNIÓN

La sede de la Reunión está localizada en el Centre de Cultures i Cooperació Transfronterera del campus universitario de Cappont de la Universitat de Lleida (calle Jaume II nº 67, Lleida), en cuyo Auditorio se celebrarán las sesiones científicas. Los pósters estarán expuestos durante todo el periodo de celebración de la Reunión, en el vestíbulo del edificio.

Los gastos de inscripción incluyen la comida y la cena del día 14, así como los cafés de las pausas, que se servirán en el vestíbulo del Auditorio. La comida del día 14 se servirá en el restaurante del Edificio Polivalente (Aulario), en el propio campus de Cappont, mientras que la cena del congreso tendrá lugar en el Hotel NH Pirineos (Paseo de Ronda nº 63, Lleida).

Los gastos de inscripción incluyen también la audición musical, que tendrá lugar el día 13 en el propio Auditorio del Centre de Cultures, a las 20,15 horas, así como la visita guiada a la Seu Vella de Lleida (antigua catedral gótica) el día 14 a partir de las 18,15 horas.

Para las comunicaciones orales se dispondrá de cañón de proyección digital desde PC, usando el programa PowerPoint. Se proporcionará a los participantes materiales apropiados para la fijación de los pósters a los paneles (1,40 x 0,85 metros). No se utilizarán chinchetas ni otros medios que deterioren el soporte.

PROGRAMA REDUCIDO

Miércoles 13 de septiembre

15:00-16:30	Entrega de documentación y montaje de paneles
16:30-16:45	Apertura
16:45-17:30	Conferencia inaugural: Ramón Díaz-Orejas: Sistemas toxina-antitoxina bacterianos a la luz del sistema Kiskid del factor de resistencia a antibióticos
17:30-19:00	Sesión I. Antibióticos y resistencias
19:00-20:00	Visita a paneles
20:15	Concierto

Jueves 14 de septiembre

9:15-10:45	Sesión IIa. Señalización, expresión génica y virulencia en microorganismos
10:45-11:45	Café y visita a paneles
11:45-13:30	Sesión IIb. Señalización, expresión génica y virulencia en microorganismos
14:00-15:00	Comida
15:30-17:30	Sesión III. Superficies microbianas y colonización
17:30-18:00	Café y visita a paneles
18:15-19:30	Visita a la Seu Vella (antigua catedral)
20:00-21:00	Reunión del Grupo de Microbiología Molecular
21:30	Cena del congreso

Viernes 15 de septiembre

9:15-10:00	Sesión IV. Replicación y regulación metabólica en levaduras
10:00-10:45	Sesión V. Biotecnología bacteriana
10:45-11:30	Café y visita a paneles
11:30-12:45	Sesión VI. Análisis genómico y metagenómico
12:45-13:00	Clausura

PROGRAMA CIENTÍFICO

CONFERENCIA INAUGURAL
Miércoles día 13 de 16:45 a 17:30

Sistemas toxina-antitoxina bacterianos a la luz del sistema Kis-kid del factor de resistencia a antibióticos

Ramón Díaz-Orejas
Centro de Investigaciones Biológicas, CSIC, Madrid

COMUNICACIONES ORALES

SESIÓN I. Antibacterianos y resistencias

Miércoles día 13, de 17:30 a 19:00

Moderador: Josep Casadesús

C1. Control post-transcripcional del operón *as-48ABC* implicado en la biogénesis de AS-48

Matilde Fernández^{1*}, Marina Sánchez-Hidalgo¹, Nieves García-Quintáns², M. Martínez-Bueno¹, Eva Valdivia¹, Paloma López² y Mercedes Maqueda¹

¹*Departamento de Microbiología, Facultad de Ciencias, Universidad de Granada, y*

²*Centro de Investigaciones Biológicas (CIB), CSIC, Madrid*

C2. Caracterización molecular de un nuevo integrón inusual de clase 1 asociado al gen de resistencia a quinolonas, *qnrB6*, de *Citrobacter freundii*

María Paula Quiroga, Liliana Jordá Vargas, Cecilia Quiroga y Daniela Centrón*
Departamento de Microbiología, Parasitología e Inmunología, Facultad de Medicina, Universidad de Buenos Aires, Argentina

C3. Caracterización y análisis funcional del integron de clase 2 Tn7::In2-8 descrito en tres aislamientos de *Acinetobacter baumannii*

María Soledad Ramírez y Daniela Centrón*
Departamento de Microbiología, Parasitología e Inmunología, Facultad de Medicina, Universidad de Buenos Aires, Argentina

C4. Resistencia de *Streptococcus suis* a fluoroquinolonas

J.A. Escudero*, A. San Millán, A. Catalán, A. de la Campa, M.A. Moreno, L. Domínguez y B. González-Zorn
Departamento de Sanidad Animal, Facultad de Veterinaria, Universidad Complutense de Madrid

C5. Resistencia a beta-lactámicos en *Haemophilus parasuis*

A. San Millán*, J.A. Escudero, A. Catalán, L. Domínguez, M.A. Moreno y B. González-Zorn
Departamento de Sanidad Animal, Facultad de Veterinaria, Universidad Complutense de Madrid

C6. Caracterización de un nuevo mecanismo de resistencia a estreptomina en micobacterias

Santiago Ramón-García*, Isabel Otal, Carlos Martín, Rafael Gómez-Lus y José Antonio Aínsa
Departamento de Microbiología, Medicina Preventiva y Salud Pública, Universidad de Zaragoza

SESIÓN Ila. Señalización, expresión génica y virulencia en microorganismos

Jueves día 14, de 9:15 a 10:45

Moderador: Iñigo Lasa

C7. Receptores de tipo Toll y producción de citoquinas por células de ratón en respuesta a *Candida albicans*

Celia Murciano*, Alberto Yáñez, Daniel Gozalbo y María Luisa Gil
Departamento de Microbiología y Ecología, Universidad de Valencia

C8. Estudio del factor de transcripción Sko1 en *Candida albicans*

Verónica Urrialde*, Rebeca Alonso Monge, César Nombela y Jesús Pla
Departamento de Microbiología II, Facultad de Farmacia, Universidad Complutense de Madrid

C9. Grx3 y Grx4, dos glutaredoxinas monotiólicas nucleares de *Saccharomyces cerevisiae* regulan la localización nuclear del factor transcripcional Aft1 y juegan un papel en respuesta a estrés oxidativo

Nuria Pujol Carrión*, M^a Angeles Cabello-Pardos y M^a Angeles de la Torre Ruiz
Grupo de Señalización en Levaduras, Departamento de Ciencias Médicas Básicas, Facultad de Medicina. Universidad de Lleida

C10. Participación de los componentes iniciales de la vía de integridad celular y de la proteína de la actina Pfy1 en la respuesta adaptativa a daño oxidativo

Maria Angeles de la Torre-Ruiz*, Nuria Pujol, Felip Vilella and Angel Mozo
Grupo de Señalización en Levaduras, Departamento de Ciencias Médicas Básicas, Facultad de Medicina. Universidad de Lleida

C11. Caracterización de la forma oxidada madura y activa del factor transcripcional Yap1 de *Saccharomyces cerevisiae*

Gemma Bellí¹, Agnès Delaunay², Ludivine Monceau², Frederique Tacnet² y Michel B. Toledano²

¹*Departamento de Ciencias Médicas Básicas, Facultad de Medicina, Universidad de Lleida, España, y* ²*Laboratoire Stress Oxydants et Cancer, Service de Biologie Moléculaire Systémique. Commissariat à L'Energie Atomique, CEA-Saclay, Francia*

C12. Caracterización de rutas de transducción de señales en fibroblastos que modulan el crecimiento intracelular de *Salmonella*

Blanca Eisman*, Mónica Elías y Francisco García del Portillo
Departamento de Biotecnología Microbiana, Centro Nacional de Biotecnología, CSIC

SESIÓN I Ib. Señalización, expresión génica y virulencia en microorganismos

Jueves día 14, de 11:45 a 13:30

Moderador: Ignacio Moriyón

C13. Estudio intracelular del mutante *phoP* de *Mycobacterium tuberculosis* en células humanas

N.L. Ferrer*¹, O. Neyrolles², B. Gicquel² y C. Martín¹

¹Grupo de Genética de Micobacterias, Departamento de Microbiología, Medicina Preventiva y Salud Pública, Universidad de Zaragoza, España, y ²Unité de Génétique Mycobactérienne, Institut Pasteur, Paris, Francia

C14. (p)ppGpp regula la expresión de virulencia en *Enterobacteriaceae*

Anna Åberg², Jorge Fernández¹, Juan David Cabrer¹ y Carlos Balsalobre*¹

¹Departament de Microbiologia, Universitat de Barcelona, España, y ²Department of Molecular Biology, Umeå University, Suecia

C15. Evolución molecular de la proteína H-NS: la interacción con miembros de la familia de proteínas Hha/YmoA está limitada a la familia *Enterobacteriaceae*

Cristina Madrid*¹, Jesús García², Miquel Pons², Aitziber Vivero¹ y Antonio Juárez¹

¹Departament de Microbiologia, Universitat de Barcelona, y ²NMR Biomolecular, Institut de Recerca Biomèdica (IRB), Parc Científic de Barcelona

C16. Estudio de la función de las proteínas GGDEF y del mensajero secundario c-di-GMP en la biología de *Salmonella*

B. García*¹, C. Solano¹, C. Latasa¹, J. Penadés², C. Gamazo³ y I. Lasa¹

¹Instituto de Agrobiotecnología, Universidad Pública de Navarra-CSIC, ²Universidad CEU e Instituto Valenciano de Investigaciones Agrarias (IVIA), y ³Departamento de Microbiología, Universidad de Navarra

C17. Regulación de genes de invasión por metilación Dam en *Salmonella enterica*

J. López-Garrido* y J. Casadesús

Departamento de Genética, Facultad de Biología, Universidad de Sevilla

C18. Cambios en la expresión del gen de la ribonucleotido reductasa en *Pseudomonas aeruginosa* durante la infección

Eduard Torrents* y Britt-Marie Sjöberg

Department of Molecular Biology and Functional Genomics, Arrhenius Laboratories for Natural Sciences, Stockholm University, Suecia

C19. Regulación del operón *virB* de *Brucella* por atenuación

Félix J. Sangari*, María C. Rodríguez y Juan M. García Lobo

Departamento de Biología Molecular, Universidad de Cantabria

SESIÓN III. Superficies microbianas y colonización

Jueves día 14, de 15:30 a 17:30

Moderador: Carlos Martín

C20. El gen NM0035 de *Neisseria meningitidis* codifica una lipoproteína de superficie fuertemente antigénica y altamente conservada

Sandra Sánchez Poza*, Jesús Arenas Busto, Ana Abel Souto, Teresa Criado Álvarez y Carlos Ferreirós Domínguez
Departamento de Microbiología y Parasitología, Facultad de Farmacia, Universidad de Santiago de Compostela

C21. Caracterización funcional de una familia LMW-PBP (COG1680) de *Escherichia coli*

Juan A. Ayala* y Daniel E. Vega
Centro de Biología Molecular, CSIC-Universidad Autónoma de Madrid

C22. Mutagénesis del dominio N-terminal de FimH indica una interacción específica con el usher de membrana externa FimD requerida para el ensamblaje de fimbrias tipo 1 de *E. coli*

Diana Munera* y Luis Ángel Fernández
Departamento de Biotecnología Microbiana, Centro Nacional de Biotecnología, CSIC

C23. Inhibición de la formación del biofilm de un amplio espectro de bacterias por un polisacárido capsular

Jaione Valle*¹, Sandra Da Re¹, Nelly Henry², Thierry Fontaine³, Damien Balestrino⁴, Patricia Latour-Lambert¹ y Jean-Marc Ghigo¹
¹*Groupe de Génétique des Biofilms, Institut Pasteur, Paris*, ²*Laboratoire Physico Chimie Curie, Paris*, ³*Unité des Aspergillus, Institut Pasteur, Paris*, y ⁴*Laboratoire de Bactériologie Université d'Auvergne, Clermont-Ferrand, Francia*

C24. Proteína A induce la formación del biofilm de *Staphylococcus aureus* en ausencia del sistema de dos componentes *ar/RS*

Nekane Merino*¹, Alejandro Toledo-Arana¹, Marta Vergara¹, José Penadés², Enrique Calvo³ e Iñigo Lasa¹
¹*Laboratorio de Biofilms Bacterianos. Instituto de Agrobiotecnología. Universidad Pública de Navarra –CSIC*, ²*Instituto Valenciano de Investigaciones Agrarias (IVIA)*, y ³*Centro Nacional de Investigaciones Cardiovasculares Carlos III, Madrid*

C25. Regulación diferencial de la respuesta transcripcional de *Saccharomyces cerevisiae* frente a distintos daños transitorios en su pared celular

Raúl García*, Javier Arroyo, Clara Bermejo, Estefanía Rodríguez, José Manuel Rodríguez-Peña, Patricia Arias, Ana Belén Sanz, Noelia Blanco, Sonia Díez y César Nombela
Departamento de Microbiología II, Facultad de Farmacia, Universidad Complutense de Madrid

C26. Perfil transcripcional de *Candida albicans* y *Saccharomyces cerevisiae* durante la síntesis “de novo” de la pared celular

Luis Castillo*, Ana Martínez, Eulogio Valentín y Rafael Sentandreu
Grupo de Investigación GMCA, Departamento de Microbiología y Ecología, Facultad de Farmacia, Universidad de Valencia

C27. El perfil transcripcional de la familia de proteína fosfatasas 2C en levadura revela un papel específico de Ptc1 en la integridad de la pared celular

Amparo Ruiz, Asier González, Raquel Serrano, Joaquín Ariño y Antonio Casamayor*
Departamento de Bioquímica y Biología Molecular, Facultad de Veterinaria, Universidad Autónoma de Barcelona

SESION IV. Replicación y regulación metabólica en levaduras

Viernes día 15, de 9:15 a 10:00

Moderadora: María Elena Fernández-Tresguerres

C28. Un motivo clave en el ensamblaje de ORC, el Complejo Iniciador de la Replicación en *Saccharomyces cerevisiae*

A. Sánchez-Gorostiaga*, M. Moreno-del Álamo, A. Serrano y R. Giraldo

Departamento de Microbiología Molecular, Centro de Investigaciones Biológicas, CSIC

C29. Una glutatión transferasa peroxisomal está funcionalmente relacionada con el metabolismo de los aminoácidos del azufre en *Saccharomyces cerevisiae*

Lina Barreto^{1*}, Ana Garcerá¹, Lidia Piedrafita¹, Kristina Jansson², Per Sunnerhagen² y Enrique Herrero¹

¹*Departamento de Ciencias Médicas Básicas, Facultad de Medicina, Universitat de Lleida, España, y* ²*Department of Cell and Molecular Biology, Lundberg Laboratory, Göteborg University, Suecia*

C30. ¿De las subunidades reguladoras de proteína fosfatasa a la biosíntesis de CoA? La historia de Hal3/Vhs3/YKL088w en *Saccharomyces cerevisiae*

Amparo Ruiz, Iván Muñoz, Asier González y Joaquín Ariño*

Departamento de Bioquímica y Biología Molecular, Facultad de Veterinaria, Universidad Autónoma de Barcelona

SESION V. Biotecnología bacteriana

Viernes día 15, de 10:00 a 10:45

Moderadora: María Jesús García

C31. Ingeniería de xilanasas bacterianas: mutagénesis de la xilanasasa B de *Paenibacillus barcinonensis*

Óscar Gallardo*¹, F. I. Javier Pastor¹, Julio Polaina², Pablo Isorna³, Julia Sanz-Aparicio³ y Pilar Diaz¹

¹*Departamento de Microbiología, Facultad de Biología, Universidad de Barcelona,*

²*Laboratorio de Estructura y Función de Enzimas, Departamento de Biotecnología de los Alimentos, Instituto de Agroquímica y Tecnología de Alimentos (IATA-CSIC), y*

³*Grupo de Cristalografía Macromolecular y Biología Estructural, Instituto de Química-Física Rocasolano, CSIC*

C32. Estudios sobre el ensamblaje de FimH en las fimbrias de tipo 1 de *E. coli*: una perspectiva biotecnológica

Diana Munera y Luis Ángel Fernández*

Departamento de Biotecnología Microbiana. Centro Nacional de Biotecnología, C.S.I.C

C33. Detección y cuantificación de *Legionella pneumophila* y *Legionella* spp. en aguas mediante real time PCR

I. Salazar, G. Saucedo*, A. Terradillos, B. Galofré y F. Ribas

Societat General d'Aigües de Barcelona (AGBAR)

SESION VI. Análisis genómico y metagenómico

Viernes día 15, de 11:30 a 12:45

Moderadora: Cristina Madrid

C34. Construcción de un DNA microarray a partir del ORFeoma de *Brucella* para analizar la expresión génica en *Brucella abortus*

Cristina Viadas^{*1}, María Cruz Rodríguez², Félix J. Sangari², Ignacio López-Goñi¹ y Juan M. García-Lobo²

¹Departamento de Microbiología, Universidad de Navarra, y ²Departamento de Biología Molecular, Universidad de Cantabria

C35. Genómica comparada de bacterias de la boca

Alex Mira* y Ravindra Pushker

División de Microbiología, Universidad Miguel Hernández

C36. Estudio metagenómico del bacterioplankton en el Mar Mediterráneo profundo

A.B. Martín-Cuadrado*, J.C. Alba, D. Moreira, P. López-García y F. Rodríguez-Valera

División de Microbiología, Universidad Miguel Hernández

C37. Composición relativa de aminoácidos: patrones y coadaptación entre organismos y ambientes

Rui Alves

Departamento de Ciencias Médicas Básicas, Universidad de Lleida

C38. La comparación de las frecuencias de oligonucleótidos en cromosomas y plásmidos de procariontes tiene un uso limitado en filogenia

R. San Millán², A. Mira³, J. Garaizar¹ y J. Bikandi^{*1}

Departamento de Inmunología, Microbiología y Parasitología, ¹Facultad de Farmacia, y ²Facultad de Medicina y Odontología, Universidad del País Vasco, y ³División de Microbiología, Universidad Miguel Hernández

PÓSTERS

P1. Caracterización de un nuevo mecanismo de resistencia a estreptomicina en micobacterias

Santiago Ramón-García, Isabel Otal, Carlos Martín, Rafael Gómez-Lus y José Antonio Aínsa

Departamento de Microbiología, Medicina Preventiva y Salud Pública, Universidad de Zaragoza

P2. Mayor de diseminación de determinadas cepas del complejo *Mycobacterium tuberculosis*: su implicación en la multirresistencia

Sofía Samper, Patricia Gavín, Isabel Otal, José A. Caminero y Carlos Martín
Grupo de genética de micobacterias de la Universidad de Zaragoza, Servicio de Microbiología del Hospital Universitario Miguel Servet, Zaragoza y Departamento de Microbiología, Facultad de Medicina; Servicio de Neumología, Hospital "Dr. Negrin", Las Palmas de Gran Canaria

P3. Construcción de un transposón para buscar nuevos genes de resistencia a antibióticos en *M. smegmatis*

Ainhoa Lucía, Carlos Martín y José Antonio Aínsa
Departamento de Microbiología, Medicina Preventiva y Salud Pública, Universidad de Zaragoza

P4. Estructura en mosaico de la isla de resistencia de la metilasa del rRNA 16S, *armA*

A. Catalán, A. San Millán, J.A. Escudero, M.A. Moreno, L. Domínguez y B. González-Zorn
Departamento de Sanidad Animal. Facultad de Veterinaria, Universidad Complutense de Madrid

P5. Control de la síntesis de ribosomas en *Mycobacterium fortuitum*

M.C. Núñez, M.C. Menéndez y M.J. García
Departamento de Medicina Preventiva y Microbiología, Universidad Autónoma de Madrid

P6. Reducción de ribonucleótidos en *Bacillus anthracis*: inhibición eficiente del crecimiento por eliminación del radical tirosil de la ribonucleótido reductasa

Eduard Torrents, Margareta Sahlin, Daniele Biglino, MariAnn Westman, Astrid Gräslund y Britt-Marie Sjöberg
Department of Molecular Biology and Functional Genomics, Arrhenius Laboratories for Natural Sciences, Stockholm University, Suecia

P7. Caracterización plasmídica de *Vibrio vulnificus* biotipo 2

Francisco José Roig Molina y Carmen Amaro González
Departamento de Microbiología y Ecología, Facultad de Biología, Universidad de Valencia

P8. Caracterización de los mutantes *gne* y *galE* de *Vibrio vulnificus* biotipo 2 serovar E

Esmeralda Valiente¹, Natalia Jiménez², Francisco Roig¹, Juan M. Tomás² y Carmen Amaro¹

¹*Departamento de Microbiología y Ecología, Facultad de Biología, Universidad de Valencia*, y ²*Departamento de Microbiología, Universidad de Barcelona*

P9. Autorregulación transcripcional de PhoPR: un sistema de dos componentes implicado en la virulencia de *Mycobacterium tuberculosis*

Jesús Gonzalo-Asensio¹, Carlos Yesid Soto² y Carlos Martín¹
¹*Grupo de Genética de Micobacterias, Facultad de Medicina. Universidad de Zaragoza* y ²*Departamento de Química, Facultad de Ciencias. Universidad de Colombia*

P10. Estudio de la piruvilación de la SCWP de *Thermus thermophilus* HB27

F. Acosta, F. Cava, M.A. de Pedro y J. Berenguer
Centro de Biología Molecular Severo Ochoa. Universidad Autónoma de Madrid-CSIC

P11. Nuevo sistema de termoestabilización heteróloga en *Thermus thermophilus*: un plásmido reportero para una rápida selección de mutantes termoestables del Interferón gamma humano

Emilio Blas Galindo¹, Hélène Chautard², Thierry Menguy², Laure Grand'Moursel², Felipe Cava¹, José Berenguer¹ y Marc Delcourt²

¹Centro de Biología Molecular Severo Ochoa, 28049-Madrid, España, y ²Biométhodes SA, Evry, Francia

P12. Análisis de las interacciones de las proteínas Kis y Kid con la región promotora del sistema *kid-kis* del plásmido R1

Ana María Hernández-Arriaga, Juan López Villarejo y Ramón Díaz-Orejas

Departamento de Microbiología Molecular, Centro de Investigaciones Biológicas, CSIC

P13. Conformaciones y ensamblajes alternativos adoptados por la proteína RepA tras su interacción con distintas secuencias de DNA

F. Gasset-Rosa, C. Dávila-Fajardo, T. Díaz-López, M.E. Fernández-Tresguerres y R. Giraldo

Departamento de Microbiología Molecular. Centro de Investigaciones Biológicas, CSIC

P14. Búsqueda de genes específicos de *Salmonella* regulados por el sistema Rcs

C.B. García-Calderón, J. Casadesús y F. Ramos-Morales

Departamento de Genética, Universidad de Sevilla

P15. Estudio de la translocación de SlrP y su interacción con proteínas eucarióticas

J. Bernal-Bayard y F. Ramos-Morales

Departamento de Genética, Universidad de Sevilla

P16. Regulación postranscripcional del operón fimbrial *std* de *Salmonella enterica* por metilación de la adenina del DNA

Marcello Jakomin y Josep Casadesús

Departamento de Genética, Universidad de Sevilla

P17. Clonación, expresión y purificación de PpmA, una peptidil-prolil-*cis/trans*-isomerasa de *Streptococcus pneumoniae*

M.M. García-Suárez, B. Suárez-Álvarez, S. Álvarez, R. Villaverde, F. Vázquez y F.J. Méndez

Área de Microbiología, Departamento de Biología Funcional, Facultad de Medicina, Universidad de Oviedo

P18. Caracterización del gen *olsB* implicado en la síntesis de lípidos de ornitina en *Brucella*

L. Palacios-Chaves¹, R. Conde-Alvarez¹, M.J. Grilló², M.J. de Miguel², I. Moriyón¹ y M. Iriarte¹

¹Departamento de Microbiología, Facultad de Medicina, Universidad de Navarra, y

²Unidad de Sanidad Animal, Centro de Investigación y Tecnología Agroalimentaria, Gobierno de Aragón, Zaragoza

P19. El núcleo oligosacarídico del lipopolisacárido de *Brucella* es una estructura esencial en la virulencia

R. Conde-Alvarez¹, M.J. Grilló², M.J. de Miguel², L. Palacios-Chaves¹, M. Iriarte¹ y I. Moriyón¹

¹Departamento de Microbiología, Facultad de Medicina, Universidad de Navarra, y
²Unidad de Sanidad Animal, Centro de Investigación y Tecnología Agroalimentaria,
Gobierno de Aragón, Zaragoza

P20. Estudio de la interacción del factor de virulencia de *Salmonella typhimurium* SigD con los fosfatidilinositoles del hospedador utilizando como modelo la levadura *Saccharomyces cerevisiae*

I. Rodríguez-Escudero, R. Rotger, V.J. Cid y M. Molina
Departamento de Microbiología II, Facultad de Farmacia, Universidad Complutense de Madrid

P21. Prevalencia de genotipos del virus de la hepatitis C en el área sur de Gran Canaria

E. Espinosa-Vega, A. Hernández Betancor, O.E. Santana Rodríguez², E.E. Álvarez León¹
y A.M. Martín Sánchez²
Servicio de Microbiología, ¹Servicio de Medicina Preventiva, Hospital Universitario Insular de Gran Canaria, y ²Universidad de Las Palmas de Gran Canaria

P22. Prevalencia de hepatitis B oculta en pacientes hemodializados

A. Hernández-Betancor¹, E. Espinosa-Vega¹, O. E. Santana¹, V. Guzman¹, A. Toledo²,
M. D. Checa² y A.M. Martín-Sánchez¹
Servicios de Microbiología¹ y Nefrología², Hospital Universitario Insular de Gran Canaria. Universidad de Las Palmas de Gran Canaria

P23. Caracterización molecular de SaPI3 y SaPI_n1, dos islas de patogenicidad de *Staphylococcus aureus*

José Blanco, Elisa Maiques, Carles Úbeda, Iñigo Lasa y José R. Penadés
Universidad Cardenal Herrera-CEU / Centro de Investigación y Tecnología Animal, Instituto Valenciano de Investigaciones Agrarias (CITA-IVIA)

P24. La bilis induce curación del plásmido de virulencia en *Salmonella enterica* serovar Typhimurium

Meritxell García-Quintanilla, Ana I. Prieto, Laurent Barnes, Francisco Ramos-Morales y Josep Casadesús
Departamento de Genética, Facultad de Biología, Universidad de Sevilla

P25. La formación del biofilm promueve la transferencia horizontal de las islas de patogenicidad de *Staphylococcus aureus*

María Desamparados Ferrer, Elisa Maiques, Carles Úbeda, María Ángeles Tormo, Iñigo Lasa y José R. Penadés
Universidad Cardenal Herrera-CEU / Centro de Investigación y Tecnología Animal, Instituto Valenciano de Investigaciones Agrarias (CITA-IVIA)

P26. Construcción de una nueva generación de vacunas vivas contra la tuberculosis basadas en *phoP*

Ainhoa Arbués, Jesús Gonzalo y Carlos Martín
Departamento de Microbiología, Medicina Preventiva y Salud Pública, Universidad de Zaragoza

P27. Modulación de la expresión génica en *Yersinia*: ¿juegan las proteínas H-NS e YmoA un papel esencial?

Rosa C. Baños, José I. Pons, Cristina Madrid y Antonio Juárez
Departamento de Microbiología, Universidad de Barcelona

P28. Estudio de genes implicados en el control de la forma celular de *Corynebacterium glutamicum*

María Fiuza, Michal Letek, Efrén Ordóñez, Luís M. Mateos y José A. Gil

*Departamento de Ecología, Genética y Microbiología, Facultad de Biología,
Universidad de León*

P29. Ribonucleotidil reductasas de clase Ib en *Streptococcus pyogenes*: redundancia o genes vestigiales?

I. Roca¹, E. Torrents², B.M. Sjöberg² y I. Gibert¹

¹*Grup de Genètica Molecular Bacteriana, Institut de Biotecnologia i de Biomedicina, Universitat Autònoma de Barcelona, España, y* ²*Department of Molecular Biology and Functional Genomics, Stockholm University, Suecia*

P30. Herramientas para estudiar la frecuencia de oligonucleótidos a lo largo de los genomas: *oligo-skews* y transferencia horizontal de genes

I. Martínez Ballesteros¹, R. San Millán², J. Garaizar¹ y J. Bikandi¹

Departamento de Inmunología, Microbiología y Parasitología, ¹Facultad de Farmacia, y ²Facultad de Medicina y Odontología, Universidad del País Vasco

P31. Estudio biogeográfico de bacterias marinas mediante comparación del operón ribosomal ITS

Giuseppe D'Auria y Francisco Rodríguez-Valera

División de Microbiología, Universidad Miguel Hernández

P32. Análisis genómico comparativo de sistemas reguladores de dos componentes en *Pseudomonas syringae*

José Luis Lavín¹, Oihana Resano¹, Kristoffer Kii², David W. Ussery² y José A. Oguiza¹

¹*Departamento de Producción Agraria, Universidad Pública de Navarra, España, y* ²*Center for Biological Sequence Analysis, Biocentrum-DTU, The Technical University of Denmark, Dinamarca*

P33. Análisis proteómico de proteínas de membrana ancladas a glicosilfosfatidilinositol en *Candida albicans*

A. Llama-Palacios, V. Cabezón-Soriano, L. Monteoliva, C. Nombela y C. Gil

Departamento de Microbiología II, Facultad de Farmacia, Universidad Complutense de Madrid

P34. Expresión génica en respuesta a estrés oxidativo de las glutatión transferasas de *Saccharomyces cerevisiae* y *Candida albicans*

Ana Garcerá, Lina Barreto, Alicia Izquierdo, Lidia Piedrafita y Enrique Herrero

Departamento de Ciencias Médicas Básicas, Facultad de Medicina, Universidad de Lleida

P35. Análisis de la respuesta de *Saccharomyces cerevisiae* a estrés mediante GRO (Genomic Run-On): papel de la estabilidad de los mRNAs

M^a Micaela Molina Navarro¹, Laia Castells Roca¹, Gemma Bellí¹, José García-Martínez², José Enrique Pérez-Ortín² y Enrique Herrero¹

¹*Departamento de Ciencias Médicas Básicas, Facultad de Medicina, Universitat de Lleida, y* ²*Departamento de Bioquímica y Biología Molecular, Facultad de Ciencias Biológicas, Universidad de Valencia*

P36. Desarrollo de anticuerpos recombinantes anti-neumolisina y su utilización diagnóstica en test ELISA

R. Villaverde, M.M. García Suárez, F. Vázquez y F.J. Méndez

Área de Microbiología, Departamento de Biología Funcional, Universidad de Oviedo

P37. De la secuenciación al test de tipificación: combinación de multiplex PCR para la diferenciación al nivel de biovariedad del género *Brucella*

D. García-Yoldi¹, C. M. Marín², M. J. de Miguel², P. M. Muñoz² y I. López-Goñi¹

¹Departamento de Microbiología y Parasitología, Universidad de Navarra, y ²Centro de Investigación y Tecnología Agroalimentaria de Aragón (CITAA)